

XVI ENCONTRO DE JOVENS PESQUISADORES DA UCS

POLIMORFISMOS CONFORMACIONAIS FITA-SIMPLES DO GENE *lipA* EM *Aeromonas*

Shana Ferrarini (PIBIC-CNPq), Guilherme Thomazi, Sergio Echeverrigaray, Ana Paula Longaray Delamare, Sérgio Olavo Pinto da Costa (orientador) - shanafbio@hotmail.com

Aeromonas, pertencentes à família Aeromonadaceae, são bactérias Gram negativas, oxidase positivas, ubíquias em ambientes aquáticos. O gênero *Aeromonas* é formado por aproximadamente 14 espécies, sendo que *A. hydrophila*, *A. caviae* e *A. veronii* var. *sobria*, são responsáveis por infecções gastrointestinais, otites, infecções do trato urinário, entre outras afecções em humanos. As principais fontes de transmissão destas bactérias para humanos são alimentos e águas. Neste contexto, a identificação de *Aeromonas* e a classificação dos isolados em amostras de águas e alimentos é essencial na avaliação do risco potencial destes produtos. Diversos trabalhos tem sido realizados no sentido de utilização de marcadores moleculares na classificação de *Aeromonas*, como RFLP-PCR do 16SrDNA, entre outros. Dados prévios do nosso grupo mostraram que o gene *lipA*, é específico de *Aeromonas*, podendo ser utilizado na identificação destas bactérias por PCR. Entretanto, RFLP-PCR do gene *lipA* não permite a caracterização de isolados. Assim sendo, no presente trabalho foi avaliada a utilização de SSCP (Single Strand Conformation Polymorphism) de amplificados do gene *lipA* na classificação e caracterização de isolados de *Aeromonas*. Para tanto, 30 isolados pertencentes a dez espécies de *Aeromonas* incluindo várias cepas de *A. hydrophila* e *A. caviae* foram analisados. Todos os isolados apresentaram amplificação de fragmento de peso molecular de aproximadamente 246 pb. A análise de polimorfismo conformacional mostrou perfis formados por duas a três bandas, os quais permitiram a caracterização de grande parte dos isolados. Variações foram observadas nos perfis de isolados de *A. Hydrophila*. Os resultados obtidos indicam a possibilidade de utilização de SSCP do gene *lipA* na caracterização de isolados e classificação de algumas espécies de *Aeromonas*.

Palavras-chave: *Aeromonas*, SSCP, *lipA*.

Apoio: UCS, CNPq.